

## ESTUDIO DE LAS RELACIONES GENÉTICAS DE *XYLELLA FASTIDIOSA* AISLADA DE ESPECIES VEGETALES EN COSTA RICA

**Beatriz Ortiz-Arias 1, Rebeca Ruiz 1, Ericka Salas 1, Lisela Moreira 1,3, William Villalobos 1**

1 Centro de Investigación en Biología Celular y Molecular, Universidad de Costa Rica, San José, Costa Rica, Beatriz.ortizarias@ucr.ac.cr

2 Escuela de Agronomía, Universidad de Costa Rica

*Xylella fastidiosa* es una bacteria restringida al xilema y transmitida por Cicadélidos. en muchos hospederos vegetales no causa enfermedad, mientras que en otros es un serio patógeno. Afecta especies de importancia económica en América, Taiwán y recientemente Italia. Se reportan cinco subespecies de *X. fastidiosa*, cuatro restringidas a E.E.U.U. y una a Brasil. en el 2001, se confirmó la presencia de *X. fastidiosa* en Costa Rica asociada a cafetos, posteriormente se detectó por serología en *Eucalyptus deglucta*, *Macadamia* spp., *Psidium friedrickstalianum*, *Persea americana*, *Nerium oleander*, etc. en este estudio se logró aislar la bacteria a partir de hospederos distintos. Se realizaron análisis filogenéticos comparando la secuencia intergénica 16S-23S rRNA y la secuencia amplificada por los imprimadores 272-1-int/272-2-int de estos aislamientos y otros reportados. Se observó que algunos aislamientos presentan altas similitudes genéticas con aislamientos de Norteamérica, mientras que otros lo hacen con los presentes en Suramérica, sin ser idénticos a los encontrados en esas regiones. Esto hace suponer que en nuestra región podrían encontrarse otras subespecies de *X. fastidiosa* aparte de las descritas. Actualmente, se encuentra en desarrollo una investigación para ampliar el número de aislamientos y evaluación de diferentes genes de esta bacteria que permita determinar a futuro este supuesto.

**Palabras Clave:** *Xylella fastidiosa*, 16S-23S rRNA, 272-1-int/272-2-int.